

## ΒΙΟΓΡΑΦΙΚΟ ΣΗΜΕΙΩΜΑ

|                            |                                                                                                                  |
|----------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <b>ΟΝΟΜΑ</b>               | Ιωάννης Ηλιόπουλος                                                                                               |
| <b>ΤΟΠΟΣ ΓΕΝΝΗΣΗΣ</b>      | Θεσσαλονίκη                                                                                                      |
| <b>ΗΜΕΡΟΜΗΝΙΑ ΓΕΝΝΗΣΗΣ</b> | 26 Μαρτίου 1970                                                                                                  |
| <b>ΥΠΗΚΟΟΤΗΤΑ</b>          | Ελληνική                                                                                                         |
| <b>ΓΛΩΣΣΕΣ</b>             | Ελληνικά, Αγγλικά και βασικές γνώσεις Γερμανικών                                                                 |
| <b>ΔΙΕΥΘΥΝΣΗ</b>           | Πτολεμαίων 30<br>TK 71305<br>Ηράκλειο<br>e-mail: ioannis@uoc.gr<br>e-mail: iliopj@med.uoc.gr<br>Τηλ. 6974-959965 |

## ΕΚΠΑΙΔΕΥΣΗ

|                          |                                                                                                                                                                                                                                                                                                            |
|--------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 1988-1993                | Τμήμα Βιολογίας, Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης                                                                                                                                                                                                                                                    |
| 1993-1997                | Τμήμα Αναπτυξιακής Γενετικής, Γερμανικό Αντικαρκινικό Κέντρο (DKFZ) Heidelberg, Germany<br>Θέμα διατριβής: “Μοριακή κλωνοποίηση και χαρακτηρισμός του <i>spaghetti</i> , ενός ογκοκατασταλτικού γονιδίου του οργανισμού <i>Drosophila melanogaster</i> ” (Υποτροφία του Γερμανικού Αντικαρκινικού Κέντρου) |
| 1997                     | Στρατιωτική θητεία                                                                                                                                                                                                                                                                                         |
| 1998                     | Τετράμηνη εργασία στη Β΄ Παιδιατρική κλινική του Πανεπιστημιακού νοσοκομείου ΑΧΕΠΑ                                                                                                                                                                                                                         |
| 1998-1999                | Οκτάμηνο μεταδιδακτορικό στο Τμήμα Αναπτυξιακής Γενετικής, Γερμανικό Αντικαρκινικό Κέντρο (DKFZ) Heidelberg, Germany<br>(Υποτροφία του Γερμανικού Αντικαρκινικού Κέντρου)                                                                                                                                  |
| Μάρ. 1999- Αυγ. 2001     | Μεταδιδακτορικό στο Πανευρωπαϊκό Ινστιτούτο Βιοπληροφορικής (EBI) Cambridge, UK. (Υποτροφία της Ευρωπαϊκής Κοινότητας)                                                                                                                                                                                     |
| Σεπ. 2001- Οκτ. 2003     | Ινστιτούτο Αγροβιοτεχνολογίας, Ε.Κ.Ε.Τ.Α. Θεσσαλονίκη ως ερευνητής Δ΄ βαθμίδος.                                                                                                                                                                                                                            |
| Οκτ. 2003 – Ιούλιος 2004 | Συνεργαζόμενος ερευνητής στην εταιρεία Βιοπληροφορικής και Βιοτεχνολογίας Biovista                                                                                                                                                                                                                         |
| Οκτ. 2004 – Μάϊος 2008   | ΠΔ 407 Τμήμα Ιατρικής, Τομέας βασικών επιστημών Ηράκλειο, Κρήτη.                                                                                                                                                                                                                                           |
| Μάϊος 2008 – Οκτ. 2014   | Λέκτορας, Τμήμα Ιατρικής, Τομέας βασικών επιστημών, Ηράκλειο, Κρήτη.                                                                                                                                                                                                                                       |
| Οκτ. 2014 – Οκτ. 2020    | Επίκουρος καθηγητής, Τμήμα Ιατρικής, Τομέας βασικών επιστημών, Ηράκλειο, Κρήτη.                                                                                                                                                                                                                            |
| Οκτ. 2020 – σήμερα       | Αναπληρωτής καθηγητής, Τμήμα Ιατρικής, Τομέας βασικών επιστημών, Ηράκλειο, Κρήτη                                                                                                                                                                                                                           |

## ΤΙΤΛΟΙ

|      |                                                                             |
|------|-----------------------------------------------------------------------------|
| 1993 | Πτυχίο Βιολογίας. Τμήμα Βιολογίας, Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης.  |
| 1998 | Διδάκτωρ Βιολογίας. Τμήμα Βιολογίας, Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης |

## ΕΡΕΥΝΗΤΙΚΗ ΕΜΠΕΙΡΙΑ

Βιοπληροφορική, μοριακή βιολογία, βιοτεχνολογία, γενετική , βιοχημεία.

## ΔΙΔΑΚΤΙΚΗ ΕΜΠΕΙΡΙΑ

- Συμμετοχή στα εργαστήρια του μαθήματος «Ηλεκτρονικοί Υπολογιστές στη Βιολογία» στο Τμήμα Βιολογίας του Πανεπιστημίου Αθηνών το εαρινό εξάμηνο 2000-2001.
- Διδασκαλία του μαθήματος «Μοριακή Βιολογία» στο τμήμα Ιατρικών Εργαστηρίων στα ΤΕΙ Αθηνών κατά το ακαδημαϊκό έτος 2003-2005. **ΠΔ 407**
- Διαλέξεις με θέμα «Εφαρμοσμένη Βιοπληροφορική» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού μαθήματος «Αλληλεπιδράσεις γονιδίων και διατροφής» του Χαροκόπειου Πανεπιστημίου Αθηνών κατά το ακαδημαϊκό έτος 2003-2004.
- Διδασκαλία του μαθήματος «Βιοπληροφορική» στο τμήμα Βιολογίας του Πανεπιστημίου Πατρών κατά το ακαδημαϊκό έτος 2003-2004. **ΠΔ 407**
- Διαλέξεις με θέμα «Εφαρμογές της Βιοπληροφορικής» στα πλαίσια του διατμηματικού μεταπτυχιακού μαθήματος «Πληροφορική Επιστημών Ζωής» του Πανεπιστημίου Πατρών κατά το ακαδημαϊκό έτος 2004-2005.
- Διδασκαλία του μαθήματος επιλογής «Εισαγωγή στη Βιοπληροφορική» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2005-2010. Από το 2010-2016 και 2019-σήμερα **υπεύθυνος μαθήματος** (αυτόνομη διδασκαλία).
- Συνδιδασκαλία του μαθήματος «Βιολογία Α'» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2012-2019. Κατά το ακαδημαϊκό έτος 2017-2018, **υπεύθυνος μαθήματος**.
- Συνδιδασκαλία του μαθήματος «Βιολογία Β'» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2008-σήμερα. Από το 2016 έως σήμερα **υπεύθυνος του μαθήματος**.
- Διαλέξεις με θέμα «Εφαρμογές της Βιοπληροφορικής» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού προγράμματος «Κυτταρική και Γενετική Αιτιολογία, Διαγνωστική των Ασθενειών του Ανθρώπου» του τμήματος Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2007-σήμερα.
- Διαλέξεις με θέμα «Βιοπληροφορική» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού προγράμματος «Πρωτεϊνική Βιοτεχνολογία» του τμήματος Βιολογίας του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2005-σήμερα.
- Διδασκαλία του μαθήματος «Βιοπληροφορική» στο τμήμα Βιολογίας του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2005- 2008. **ΠΔ 407**
- Διαλέξεις με θέμα «Βιοπληροφορική» στα πλαίσια του Διατμηματικού Μεταπτυχιακού Προγράμματος Σπουδών Μοριακής Βιολογίας - Βιοϊατρικής

του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2005-σήμερα. Από το 2019 **υπεύθυνος του μαθήματος**.

- Διαλέξεις με θέμα «Βιοπληροφορική» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού προγράμματος «Νευροεπιστημών» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2006-σήμερα.
- Συνδιδασκαλία του μαθήματος επιλογής «Βασικές αρχές προγραμματισμού» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2012-2016. **Υπεύθυνος μαθήματος**.
- Διαλέξεις με θέμα «Μεθοδολογία αναζήτησης σε βιολογικές και ιατρικές βάσεις δεδομένων (Pubmed, OMIM)» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού προγράμματος «Οπτική και Όραση» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2012-2017.
- Διαλέξεις με θέμα «Βιοπληροφορική» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού προγράμματος «Μοριακή Βιολογία και Βιοτεχνολογία Φυτών» του τμήματος Βιολογίας του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2009-σήμερα. **Υπεύθυνος μαθήματος**.
- Διδασκαλία του μαθήματος «Γενετική» στα πλαίσια του μεταπτυχιακού προγράμματος «Βιοπληροφορικής» στο τμήμα Ιατρικής του Πανεπιστημίου Κρήτης κατά το ακαδημαϊκό έτος 2016-σήμερα. **Υπεύθυνος μαθήματος**.
- Επίβλεψη σε επτά μεταδιδακτορικούς φοιτητές (Ευάγγελος Παφίλης, Αναστάσιος Ούλας, Γεώργιος Παυλόπουλος, Ιωάννης Θεολογίδης, Θεοδόσιος Θεοδοσίου, Νικόλαος Παπανικολάου και Αναστασία Γιώτη), σε πέντε διδακτορικούς φοιτητές (Βασιλική Μήτση - ολοκληρωμένη διατριβή, Ισμήνη Μπαλτσαβιά - έχει λάβει έγκριση για συγγραφή, Αντώνιος Κιούκης, Αγαθάγγελος Χατζηχριστοφή, Ελευθέριος Παύλος), σε δεκατρείς μεταπτυχιακούς φοιτητές (διπλωματική εργασία- δώδεκα ολοκληρωμένες), σε 18 μεταπτυχιακούς φοιτητές για τρίμηνη εργαστηριακή άσκηση (rotation) και σε πέντε προπτυχιακούς φοιτητές.
- Συμμετοχή σε τρεις τριμελείς επιτροπές διδακτορικού (ολοκληρωμένες) και σε δώδεκα επταμελείς (ολοκληρωμένες) εκ των οποίων οι 4 ήταν από πανεπιστήμια του εξωτερικού (Leuven, Groningen, Πανεπιστήμιο Κύπρου, Luxemburg).

## **ΕΜΠΕΙΡΙΑ ΣΤΟΥΣ ΗΛΕΚΤΡΟΝΙΚΟΥΣ ΥΠΟΛΟΓΙΣΤΕΣ**

Windows, Unix, Perl, MacOS.

## **ΕΡΕΥΝΗΤΙΚΑ ΠΡΟΓΡΑΜΜΑΤΑ**

Μάρτιος 1999 – Αύγουστος 2001. Συμμετοχή στο Ευρωπαϊκό TMR πρόγραμμα με τίτλο "**GeneQuiz: An Integrated Software System for Molecular Biologists** "

**Επιστημονικός υπεύθυνος:** «Λειτουργικός χαρακτηρισμός και συγκριτική ανάλυση γονιδιωματικών ακολουθιών», στα πλαίσια της επιστημονικής συνεργασίας Ελλάδας – Μ. Βρετανίας (2002-2004).

Επιστημονικός συνεργάτης στο πρόγραμμα ΠΕΝΕΔ της Γ.Γ.Ε.Τ. με τίτλο :  
«Ανάπτυξη και αξιοποίηση μοριακών διαγνωστικών μεθόδων ανίχνευσης των  
υπερμολυσματικών στελεχών του μύκητα *Fysarium oxysporum*» (2003-2006).

Επιστημονικός υπεύθυνος της Ελληνικής πλευράς στο πρόγραμμα του ΙΠΕ (Ιδρυμα  
Προώθησης Έρευνας Κύπρου) με τίτλο: «**Development of an Integrated Computer  
System for Text Mining Biomedical Databases**». (2009-2011).

Επιστημονικός υπεύθυνος στο πρόγραμμα «Μικρού μεγέθους» του ΕΛΚΕ με τίτλο:  
«Ανάπτυξη ενός Εργαλείου Πρόβλεψης Στόχων των MicroRNA και η χρήση του  
για την εύρεση στόχων σε γονίδια σχετιζόμενα με τον καρκίνο» (2010).

Επιστημονικός υπεύθυνος στο πρόγραμμα «Μικρού μεγέθους» του ΕΛΚΕ με τίτλο:  
«Χρήση αλγορίθμων για επεξεργασία μεγάλου αριθμού βιοϊατρικών κειμένων με  
σκοπό την παραγωγή νέας γνώσης.» (2013).

Επιστημονικός συνεργάτης στο πρόγραμμα ΘΑΛΗΣ της Γ.Γ.Ε.Τ. με τίτλο : «**MIDAS  
:Maturation of Innate immunity: influence of infections and role in the  
Development of allergy and Asthma**» (2013-2015).

Επιστημονικός συνεργάτης στο πρόγραμμα **TransPOT programme EU** "Enhancing  
University of Crete Medical School Scientific Excellence and Translational Research  
Potential in Human Diseases". Medical school, University of Crete, Greece (2012-  
2015)

Επιστημονικός συνεργάτης στο πρόγραμμα DEFORM: Determine the financial and  
global impact of research misconduct (**HORIZON 2020**, Project ID 710246,  
Coordinator: INSEEC, France, 01/06/2016 to 31/07/2018)

Χρηματοδότηση από το πρόγραμμα **Elixir** των εργαλείων BiotextQuest, Proteosign,  
UniReD 2020-2021 ("ELIXIR-GR: Managing and Analysing Life Sciences Data"  
(MIS: 5002780). **Επιστημονικός υπεύθυνος.**

Επιστημονικός υπεύθυνος της ελληνικής πλευράς στο πρόγραμμα European Regional  
Development Fund and the Republic of Cyprus through the Cyprus Research and  
Innovation Foundation (Project: EXCELLENCE/0421/0576) (Development of state-  
of-the-art bioinformatics database and software resources towards improved detection  
of functional LIR-motifs) 2022-2024.

Επιστημονικός συνεργάτης, αντιπρόσωπος της ελληνικής συμμετοχής στο  
πρόγραμμα COST (European Cooperation in Science and Technology) Action 20117  
- Converting molecular profiles of myeloid cells into biomarkers for inflammation  
and cancer (Myc-InfoBank) 2021-2025.

**ΑΛΛΕΣ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΕΣ - ΔΙΟΙΚΗΤΙΚΕΣ  
ΔΡΑΣΤΗΡΙΟΤΗΤΕΣ-ΔΙΑΚΡΙΣΕΙΣ**

- Αξιολογητής επιστημονικών εργασιών για τα περιοδικά Bioinformatics, BMC bioinformatics, BMC genetics, Plos one, Plos Pathogens, BMC Genomics, Nucleic Acids Research, Gene, Plos Computational Biology, Scientific reports, Trends in Pharmacological Sciences, Journal of Molecular Biology, Genes, κ.α..
- Αντιπρόεδρος του Hellenic Society of Computational Biology (2009-2011)
- Μέλος του πενταμελούς συμβουλίου του Hellenic Society of Computational Biology (2011- 2013)
- Πρόεδρος της Ελληνικής Εταιρείας Βιοπληροφορικής (2016)
- Αναπληρωτής διευθυντής του νεοσύστατου μεταπτυχιακού στη Βιοπληροφορική της Ιατρικής σχολής του Πανεπιστημίου Κρήτης (2020-σήμερα)
- Διευθυντής του νεοσύστατου μεταπτυχιακού στη Βιοπληροφορική της Ιατρικής σχολής του Πανεπιστημίου Κρήτης (2020-σήμερα)
- Αναπληρωτής διευθυντής του διατμηματικού μεταπτυχιακού προγράμματος Μοριακή Βιολογία-Βιοϊατρική του Πανεπιστημίου Κρήτης (2015-2017)
- Μέλος επιτροπών της Ιατρικής σχολής του Πανεπιστημίου Κρήτης από το 2014 (Επιτροπή Χωροταξίας, Επιτροπή Δικτύων και Website Ιατρικής Σχολής, Επιτροπή Μεταπτυχιακών Σπουδών, Επιτροπή Κλινικής και Μεταφραστικής Έρευνας, Επιτροπή Επαγγελματικών Θεμάτων, Επιτροπή Διασύνδεσης με Δευτεροβάθμια Εκπαίδευση, Επιτροπή Έρευνας και Ερευνητικών Υποδομών της Σχολής, OMEA)
- Μέλος του editorial board στο περιοδικό Computational and Structural Biotechnology Journal (CSBJ, impact factor: 6) (2023-σήμερα) και στο περιοδικό Journal of Biological Research – Thessaloniki (impact factor: 3,3) (2018-σήμερα)
- Τις χρονιές 2021 και 2022 στα πλαίσια της δράσης «Πανεπιστημίου της Διασποράς» του Πανεπιστημίου Κύπρου, επιλέχθηκα ως διακεκριμένος καθηγητής του εξωτερικού για διδασκαλία και ερευνητική συνεργασία με το τμήμα Βιολογίας του Πανεπιστημίου Κύπρου.
- ELIXIR Greek Node – Representative for the University of Crete (2014 - σήμερα)

## ΣΥΜΜΕΤΟΧΗ ΣΕ ΣΥΝΕΔΡΙΑ

1. Workshop on tumor suppressor genes and the regulation of growth and differentiation in *Drosophila*. BIOLOGICAL RESEARCH CENTER, HUNGARY 23-25 September 1993.
2. Workshop on the regulation and growth differentiation in *Drosophila*. DKFZ (German Cancer Research Center) Heidelberg Germany. January 1995.
3. I. Iliopoulos, I. Toeroek, F. Cifuentes-Ambroyo, F. Rocha, A. Garcia-Bellido, I. Kiss and B. M. Mechler. Molecular cloning and characterization of *spaghetti*, a novel tumor suppressor gene of *Drosophila melanogaster*. (1995). Abstracts of the 14<sup>th</sup> EUROPEAN DROSOPHILA RESEARCH CONFERENCE. Venice, Italy.
4. Conference in Biotechnology and Pharmacology. National Research Institute. May 1998. Athens, Greece.
5. The seventh international conference on Intelligent Systems for Molecular Biology. 6-10 August, 1999. Heidelberg, Germany.
6. Data mining for Bioinformatics-Towards In Silico Biology. 10-12 November 1999. EBI-Wellcome Trust Genome Campus-Hinxton-Cambridge.
7. Genome sequence and comparative analysis. Aristotle University of Thessaloniki 21-25 November 2000. Thessaloniki, Greece.
8. German Conference on Bioinformatics. Oct. 5-7, Heidelberg 2000. Germany.
9. Pacific Symposium on Biocomputing 2001. January 4-7, 2001. Big Island, Hawaii.
10. Workshop on Bioinformatics. 30 September – 1 October 2004. The Institute of Agrobiotechnology, CERTH, Thessaloniki Greece. **Invited speaker.**
11. Hellenic Excellence Center for Life Science Informatics. 5<sup>th</sup> of October 2004, Athens Greece.
12. **Co-organiser** of the “1<sup>st</sup> Cretan Bioinformatics Forum” 19<sup>th</sup> of July 2006, Heraklion, Crete
13. V. J. Promponas, N. Papanikolaou and I. Iliopoulos. Conservation of genomic neighbourhood is related to the rate by which intraparalogous proteins evolve in two bacterial species. 14<sup>th</sup> annual international conference on Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB). 6-10 August, 2006. Fortaleza, Brazil .
14. 1<sup>st</sup> Hellenic Bioinformatics & Medical Informatics Forum, 4-5 September 2007, IIBEEA, Athens.
15. **Co-organiser** of the 3rd conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics HSCBB08, Certh, Thessaloniki, 30-31/10/2008
16. Alexandros Tsakogiannis, Nikolas Papanikolaou, Vasilis J. Promponas and **Ioannis Iliopoulos**. *Gene Order Conservation Studies in Three Pyrococcus Species*. 3rd conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics HSCBB08, Certh, Thessaloniki, 30-31/10/2008
17. **Co-organiser** of the 4<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Athens, Greece, 18-20 December, 2009.
18. 7th Training Workshop @ INA/CERTH : Computational Genomics Tools for Exploring -omics Data Resources. Thessaloniki 11-12 Mar 2010. **Invited speaker.**
19. Oulas A, Poirazi P. and **Iliopoulos I**. Development of a MicroRNA Target Prediction Tool using Profile Hidden Markov Models, Cancer Bioinformatics Workshop, Cambridge Research Institute, 2 - 4th September, 2010.

20. Oulas A, **Iliopoulos I.** and Poirazi P. Improved prediction of miRNA gene targets, Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics 5th Annual meeting, Alexandroupolis, 17th-19th October, 2010.
21. Nikolaos Papanikolaou, Evangelos Pafilis, Stavros Nikolaou, **Ioannis Iliopoulos** and Vasilis Promponas. wwwTextQuest: A Biomedical Text Mining Suite for Concept Discovery. Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics 5th Annual meeting, Alexandroupolis, 17th-19th October, 2010.
22. Pinelopi Pliota, Anastasis Oulas, Nikolaos Papanikolaou and **Ioannis Iliopoulos**. Predicting human miRNA target sites in regions other than 3' UTRs using known algorithms. Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics 5th Annual meeting, Alexandroupolis, 17th-19th October, 2010.
23. **Co-organiser** of the 5<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Alexandroupolis, Greece, 17-19 October, 2010.
24. Workshop at the University of Cyprus "Mining The Biomedical Literature - Focus on automated document annotation, knowledge discovery, microRNA research". **Co-organizer**. March 2011.
25. Hamodrakas SJ, **Iliopoulos I.**, Ouzounis CA, Bagos PG, and Promponas VJ. "The Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics". 19th International Conference on Intelligent Systems for Molecular Biology and 10th European Conference on Computational Biology, Vienna, Austria, 17-19/07/2011.
26. **Co-organiser** of the 6<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Patras, Greece, 7-9 October, 2011.
27. Oulas A, Karathanasis N, Louloui A, **Iliopoulos I.** , Poirazi P., Kalantidis K. Prediction of miRNA gene targets with implications in carcinogenesis – a combined computational and experimental approach. 62<sup>ο</sup> Πανελλήνιο Συνέδριο Ελληνικής Εταιρείας Βιοχημείας και Μοριακής Βιολογίας. Αθήνα, Ίδρυμα Ευγενίδου, 9-11 Δεκεμβρίου 2011.
28. Oulas A, Karathanasis N, Louloui A, **Iliopoulos I.** , Kalantidis K, Poirazi P. A new microRNA target prediction tool identifies a novel interaction of a putative miRNA with CCND2. 7<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Heraklion, Greece, 4-6 October, 2012.
29. Anastasis Oulas, Evangelia Vogiatzaki, Christos Zoumadakis, Andreas G. Doulis, **Ioannis Iliopoulos**. MSAP ANALYZER – A COMPREHENSIVE WEB TOOL FOR PROCESSING METHYLATION SENSITIVE AMPLIFIED POLYMORPHISM (MSAP) DATA. 7<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Heraklion, Greece, 4-6 October, 2012.
30. **Co-organiser** of the 7<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Heraklion, Greece, 4-6 October, 2012.
31. Vasilis J. Promponas, **Ioannis Iliopoulos**, Christos A. Ouzounis. We still have a job: genome annotation. Automated Function Prediction SIG: An ISMB Special Interest Group Meeting Berlin, Germany, July 20th 2013

32. Pafilis E, Pavlopoulos GA, Satagopam V, Horn H, Arvanitidis C, Jensen L, **Iliopoulos I**, Schneider R. OnTheFly 2.0: Automated Annotation of Scientific Documents. ISMB/ECCB 2013, 21-23 July 2013, Berlin, Germany.
33. Megremis Spyridon, Taka Styliani, Oulas, Anastasis, Kotoulas Georgios **Iliopoulos Ioannis**, Papadopoulos, Nikolaos G. Human rhinovirus replication-dependent induction of micro-RNAs in human bronchial epithelial cells. 3<sup>rd</sup> Pediatric and Allergy Meeting – PAAM 2013 (Athens-Greece, 17-19 October 2013)
34. Pafilis E, Pavlopoulos GA, Satagopam V, Papanikolaou N, Horn H, Arvanitidis C, Jensen L, Schneider R, **Iliopoulos I**. OnTheFly 2.0: A service to automatically annotate files and extract biological information. 13th IEEE International Conference on Bioinformatics and Bioengineering (BIBE13), 11-13 Nov 2013, Chania, Crete, Greece
35. **Co-organiser** of the 8<sup>th</sup> Annual Conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics, Lamia, Greece, 22-24 November, 2013.
36. Shifting from literature mining to bioinformatics analysis with BioTextQuest. Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, Satagopam V, Schneider R, **Iliopoulos I**. HSCBB13, 22-24 November 2013, Lamia, Greece.
37. The role of Geminin in embryonic Neural Crest Cells a functional approach through bioinformatics analyses. Kanellakis NI, Patmanidi A, Nikolopoulou P, Stathopoulou A, **Iliopoulos I**, Pavlopoulos GA, Lygerou Z, Stavros Taraviras S. HSCBB13, 22-24 November 2013, Lamia, Greece
38. BioTextQuest+: A knowledge integration platform for literature mining and concept discovery. Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, Pafilis E, Theodosiou T, Schneider R, Satagopam V, Ouzounis C, Eliopoulos GA, Promponas V, **Iliopoulos I**. ECCB14, 7-10 September 2014, Strasbourg, France.
39. powerClust: a web application for clustering analysis. Pavlopoulos GA, Theodoropoulou M, Kontou P, Dimou N, **Iliopoulos I**, Bagos PG, Hamodrakas SJ. HSCBB14, 10-12 October 2014, AUA, Athens, Greece
40. DrugQuest - A Text Mining workflow for drug association discovery. Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, **Iliopoulos I**. SMODIA: “Statistical Methods for Omics Data Integration and Analysis“, Heraklion, Crete, Greece, November 10-12, 2014
41. An online tool for assessing methylation sensitive amplified polymorphic (MSAP) markers by comparison to reference states. Oulas A, Pavlopoulos GA, Vogiatzaki E, Zoumadakis C, Doulis A, **Iliopoulos I**. SMODIA: “Statistical Methods for Omics Data Integration and Analysis“, Heraklion, Crete, Greece, November 10-12, 2014
42. 23rd ISMB/ 14<sup>th</sup> ECCB 2015, 10-14 July 2015, Dublin, Ireland.
43. MSAPANALYZER: An online tool for assessing methylation sensitive amplified polymorphic (MSAP) markers by comparison to reference states. Oulas A, Pavlopoulos GA, Vogiatzaki E, Zoumadakis C, Doulis A, **Iliopoulos I**. 10th conference of the Hellenic Society for Computational Biology and Bioinformatics - HSCBB15 Athens, Greece, October 09-11, 2015
44. **Co-organizer** Conference: Hellenic Bioinformatics 09 • 2016, 19-21 November 2016 • CERTH | Thessalonica | Greece
45. Uniprot Related Documents (UniReD): Predict protein-protein interactions from PubMed documents relationships. Hellenic Bioinformatics 09 • 2016, 19-21 November 2016 • CERTH | Thessalonica | Greece



46. **Chair.** Conference Hellenic Bioinformatics 10 • 2017, 6-9 September 2017 • FORTH | Heraklion | Greece
47. Modular Agent-Based Modeling Platform for Bridging Interdisciplinary Research in Ecology, Evolution, Behavioral Biology and Computational Neuroscience Sakagiannis P, Pavlidis P, Promponas VJ and **Iliopoulos I.** Hellenic Bioinformatics 10 • 2017, 6-9 September 2017 • FORTH | Heraklion | Greece
48. Latest Improvements in ProteoSign, a Web Application for Differential Proteomics Analysis Efstathiou G, Antonakis A, Pavlopoulos GA, Theodosiou T, Divanach P, Trudgian DC, Thomas B, Papanikolaou N, Aivaliotis M, Acuto O and **Iliopoulos I.** Hellenic Bioinformatics 10 • 2017, 6-9 September 2017 • FORTH | Heraklion | Greece
49. Text Mining the Scientific Literature on Research Integrity and Misconduct Papanikolaou N, Gioti A, Sifaki E, **Iliopoulos I** and Petoussi V. Hellenic Bioinformatics 10 • 2017, 6-9 September 2017 • FORTH | Heraklion | Greece
50. **Co-organizer** Conference: Hellenic Bioinformatics 11 • 2018, 15-18 November 2018 • TCH | Thessalonica | Greece
51. Expanding the protein space using metagenomic data. Giorgos Pavlopoulos, Sergey Ovchinnikov, Ariful Azad, David Paez Espino, **Ioannis Iliopoulos**, Natalia Ivanova, Aydin Buluç, Isidore Rigoutsos, David Baker, Christos Ouzounis and Nikos Kyrpides. Hellenic Bioinformatics 11 • 2018, 15-18 November 2018 • TCH | Thessalonica | Greece
52. UniProt Related Documents (UniReD): Predicting protein-protein interactions from PubMed document relationships. Theodosios Theodosiou, Nikolaos Papanikolaou, Gregory Amoutzias, Georgios Pavlopoulos, Michalis Aivaliotis and **Ioannis Iliopoulos.** Hellenic Bioinformatics 11 • 2018, 15-18 November 2018 • TCH | Thessalonica | Greece
53. **Chair.** Conference Hellenic Bioinformatics 12 • 2019, 11-13 October 2019 • FORTH | Heraklion | Greece
54. Hypothesis, analysis and synthesis: it's all Greek to me! **Ioannis Iliopoulos**, Christos Ouzounis and Vasilis Promponas. Hellenic Bioinformatics 12 • 2019, 11-13 October 2019 • FORTH | Heraklion | Greece
55. Bottom-up mass spectrometry based proteomics: state-of-the-art differential analysis Tools. Vangelis Theodorakis, Ismini Baltsavia, Andreas N. Antonakis, Georgios Efstathiou, Georgios A. Pavlopoulos, Grigoris D. Amoutzias, Michalis Aivaliotis and **Ioannis Iliopoulos.** Hellenic Bioinformatics 12 • 2019, 11-13 October 2019 • FORTH | Heraklion | Greece
56. A graph representation of the individual exome variation with evidence from biomedical text corpora. Ioannis Giannoulakis, Alexandros Kanterakis, Konstantina Pityanou, George Potamias, **Ioannis Iliopoulos.** (ISMB/ECCB) 2021
57. Ismini Baltsavia, Georgios Stamoulos, Konstantinos Tziavaras, Alexandros Dermanis, **Ioannis Iliopoulos**, Ron Caspi, Peter D. Karp, Nikos C. Kyrpides, Christos A. Ouzounis. 2022 (September) Genome-wide metabolic annotation for *Methanocaldococcus* (*Methanococcus jannaschii*), the first member of the Archaea to be sequenced a quarter of a century ago. F1000Research 2022, 11:1350 the 21st European Conference on Computational Biology (ECCB2022), Sitges, Spain.

## ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ

1. **Ioannis Iliopoulos**, Istvan Toeroek and Bernard M. Mechler (1997). The DnaJ60 Gene of *Drosophila melanogaster* Encodes a New member of the DnaJ Family of Proteins. *Biol. Chem.* 378. 1177-1181.
2. Enright A., **Iliopoulos I.**, Kyrpides N. C. and C. A. Ouzounis (1999). Protein interaction maps for complete genomes based on fusion events. *Nature*. 402. 86-90. **Το άρθρο αυτό επιλέχτηκε για σχολιασμό από το περιοδικό Nature (Nature News & Views: Sali A; Nature 402, 23-24 (1999) 'Functional links between proteins').**
3. Kyrpides N.C., Ouzounis C. A., **Iliopoulos I.**, Vonstein V. and R. Overbeek. Analysis of the *Thermotoga maritima* genome combining a variety of sequence similarity and genome context tools. *Nucleic Acids Res.* 2000 Nov. 15;28(22): 4573-6.
4. **I. Iliopoulos**, S. Tsoka, M. Andrade, P. Janssen, B. Audit, A. Tramontano, A. Valencia, C. Leroy, C. Sander and C. A. Ouzounis. Genome sequences and great expectations. 2000 Dec. *GenomeBiology*2(1):interactions0001.1-0001.3. **Η ιστοσελίδα στην οποία υπάρχει η ανάλυση των γονιδιωμάτων επιλέχτηκε από το περιοδικό Science για τη στήλη Netwatch.**
5. **Iliopoulos I.**, Enright A. J. and C. A. Ouzounis. "TextQuest: document clustering of medline abstracts for concepts discovery in molecular biology". *Pac. Symp. Biocomput.* 6: 384-395 (2001).
6. **Iliopoulos I.**, Tsoka S., Andrade M., Enright A., Carroll M., Pouillet P., Promponas V., Liakopoulos T., Palaios G., Pasquier C., Hamodrakas S., Tamames J., Yagnik A., Tramontano A., Devos D., Blaschke C., Valencia A., Brett D., Martin D., Leroy C., Rigoustos I., Sander C. & Ouzounis C. *Evaluation of annotation strategies using an entire genome sequence.* *Bioinformatics.* 2003 Apr 12; 19(6):717-726.
7. **Iliopoulos I.**, Enright A., Pouillet P. and C. A. Ouzounis. Mapping functional associations in the entire genome of *Drosophila melanogaster*. *Comparative and Functional Genomics* (2003) 4: 337-341
8. Athanasios S. Tsaftaris , Konstantinos Pasentsis, **Ioannis Iliopoulos**, and Alexios N. Polidoros. Isolation of three homologous *AP1*-like MADS-box genes in crocus (*Crocus sativus* L.) and characterization of their expression . *Plant Science*,166( 5), May 2004, 1235-1243.
9. T. Theodosiou and **I. Iliopoulos**. Proteins of linked genes are highly conserved in two bacterial species. *Journal of Evolutionary Biology*, 2006 Jul;19(4):1343-5.
10. Lagnel J, Tsigenopoulos CS, **Iliopoulos I.** NOBLAST and JAMBLAST: New Options for BLAST and a Java Application Manager for BLAST results. *Bioinformatics.* 2009 Mar 15;25(6):824-6.
11. Nikolas Papanikolaou, Kalliopi Trachana, Theodosios Theodosiou, Vasilis J.Promponas and **Ioannis Iliopoulos**. Gene socialization: gene order, GC content and gene silencing in *Salmonella*. *BMC Genomics.* 2009 Dec 11;10:597
12. Nikolas Papanikolaou, Evangelos Pafilis, Stavros Nikolaou, **Ioannis Iliopoulos\*** and Vasilis J.Promponas\*. BioTextQuest: A Web-based Biomedical Text Mining Suite for concept discovery. *Bioinformatics.* 2011 Oct 12. [Epub ahead of print]. \* co co-authorship.

13. Fotis E, Psomopoulos, Victoria I, Siarkou, Nikolas Papanikolaou, **Ioannis Iliopoulos**, Athanasios S, Tsaftaris, Vasilis J, Promponas and Christos A. Ouzounis. The Chlamydiales Pangenome Revisited: Structural Stability and Functional Coherence. *Genes* 2012, 3(2), 291-319;doi:10.3390/genes3020291
14. Oulas A, Karathanasis N, Louloupis A, **Iliopoulos I\***, Kalantidis K\*, Poirazi P. A new microRNA target prediction tool identifies a novel interaction of a putative miRNA with CCND2. *RNA Biol.* 2012 Sep 1;9(9). \* co co-authorship.
15. Ouzounis C.A., Promponas V.J., **Iliopoulos I**. The quest for an upper limit in systems biology. *Journal of Biological Research-Thessaloniki*. 2012, Vol. 18, p353-358.
16. Promponas VJ, Ouzounis CA, **Iliopoulos I**. Experimental evidence validating the computational inference of functional associations from gene fusion events: a critical survey. *Brief Bioinform.* 2012 Dec 5. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 23220349.
17. Velegaki M, Papakonstanti E, Mavroudi I, Psyllaki M, Tsatsanis C, Oulas A, **Iliopoulos I**, Katonis P, Papadaki HA. Impaired clearance of apoptotic cells leads to HMGB1 release in the bone-marrow of MDS patients and induces TLR4-mediated cytokine production. *Haematologica*. 2013 Feb 12. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 23403315.
18. Pavlopoulos GA, Oulas A, Iacucci E, Sifrim A, Moreau Y, Schneider R, Aerts J, **Iliopoulos I**. Unraveling genomic variation from next generation sequencing data. *BioData Min.* 2013 Jul 25;6(1):13. doi: 10.1186/1756-0381-6-13. PubMed PMID: 23885890
19. Benbahouche Nel H\*, **Iliopoulos I\***, Török I, Marhold J, Henri J, Kajava AV, Farkaš R, Kempf T, Schnölzer M, Meyer P, Kiss I, Bertrand E, Mechler BM, Pradet-Balade B. Drosophila Spag is the homolog of RNA polymerase II-associated protein 3 (RPAP3) and recruits the heat shock proteins 70 and 90 (Hsp70 and Hsp90) during the assembly of cellular machineries. *J Biol Chem*. 2014 Feb 28;289(9):6236-47. doi: 10.1074/jbc.M113.499608. Epub 2014 Jan 6. PubMed PMID: 24394412 \*equally contributed
20. Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, Pafilis E, Theodosiou T, Schneider R, Satagopam VP, Ouzounis CA, Eliopoulos AG, Promponas VJ, **Iliopoulos I**. BioTextQuest(+): a knowledge integration platform for literature mining and concept discovery. *Bioinformatics*. 2014 Nov 15;30(22):3249-56. doi: 10.1093/bioinformatics/btu524. Epub 2014 Aug 6. Erratum in: *Bioinformatics*. 2015 Mar 15;31(6):979. PubMed PMID: 25100685.
21. Pediaditakis I, **Iliopoulos I**, Theologidis I, Delivanoglou N, Margioris AN, Charalampopoulos I, Gravanis A. Dehydroepiandrosterone: an ancestral ligand of neurotrophin receptors. *Endocrinology*. 2015 Jan;156(1):16-23. doi: 10.1210/en.2014-1596. PubMed PMID: 25330101.
22. Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, Theodosiou T, **Iliopoulos I**. Protein-protein interaction predictions using text mining methods. *Methods*. 2015 Mar;74:47-53. doi: 10.1016/j.ymeth.2014.10.026. Epub 2014 Oct 28. PubMed PMID: 25448298.
23. Oulas A, Pavloundi C, Polymenakou P, Pavlopoulos GA, Papanikolaou N, Kotoulas G, Arvanitidis C, **Iliopoulos I**. Metagenomics: tools and insights for analysing next-generation sequencing data derived from biodiversity studies. *Bioinform Biol Insights*. 2015 May 5;9:75-88. doi: 10.4137/BBI.S12462. eCollection 2015. Review. PubMed PMID: 25983555.

24. Pavlopoulos GA, Malliarakis D, Papanikolaou N, Theodosiou T, Enright AJ, **Iliopoulos I**. Visualizing genome and systems biology: technologies, tools, implementation techniques and trends, past, present and future. *Gigascience*. 2015 Aug 25;4:38. doi: 10.1186/s13742-015-0077-2. eCollection 2015. PubMed PMID: 26309733.
25. Promponas VJ, **Iliopoulos I**, Ouzounis CA. Annotation inconsistencies beyond sequence similarity-based function prediction - phylogeny and genome structure. *Stand Genomic Sci*. 2015 Nov 19;10:108. eCollection 2015. PubMed PMID: 26594309.
26. Gkouskou KK, Ioannou M, Pavlopoulos GA, Georgila K, Sigano A, Nikolaidis G, Kanellis DC, Moore S, Papadakis KA, Kardassis D, **Iliopoulos I**, McDyer FA, Drakos E, Eliopoulos AG. Apolipoprotein A-I inhibits experimental colitis and colitis-propelled carcinogenesis. *Oncogene*. 2015 Aug 17. doi:10.1038/onc.2015.307. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 26279300.
27. Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, Theodosiou T, Vizirianakis IS, **Iliopoulos I**. DrugQuest - a text mining workflow for drug association discovery. *BMC Bioinformatics*. 2016 Jun 6;17 Suppl 5:182. doi: 10.1186/s12859-016-1041-6. PubMed PMID: 27295093; PubMed Central PMCID: PMC4905607.
28. Efstathiou G, Antonakis AN, Pavlopoulos GA, Theodosiou T, Divanach P, Trudgian DC, Thomas B, Papanikolaou N, Aivaliotis M, Acuto O, **Iliopoulos I**. ProteoSign: an end-user online differential proteomics statistical analysis platform. *Nucleic Acids Res*. 2017 May 17. doi: 10.1093/nar/gkx444. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 28520987.
29. Theodosiou T, Efstathiou G, Papanikolaou N, Kyrpides NC, Bagos PG, **Iliopoulos I\***, Pavlopoulos GA\*. NAP: The Network Analysis Profiler, a web tool for easier topological analysis and comparison of medium-scale biological networks. *BMC Res Notes*. 2017 Jul 14;10(1):278. doi: 10.1186/s13104-017-2607-8. PubMed PMID: 28705239; PubMed Central PMCID: PMC5513407. \* co co-authorship.
30. Pavlopoulos GA, Paez-Espino D, Kyrpides NC, **Iliopoulos I**. Empirical Comparison of Visualization Tools for Larger-Scale Network Analysis. *Adv Bioinformatics*. 2017;2017:1278932. doi: 10.1155/2017/1278932. Epub 2017 Jul 18. PubMed PMID: 28804499; PubMed Central PMCID: PMC5540468.
31. **Iliopoulos I\***, Ananiadou S, Danchin A, Ioannidis JP, Katsikis PD, Ouzounis CA\*, Promponas VJ\*. Hypothesis, analysis and synthesis, it's all Greek to me. *Elife*. 2019 Feb 20;8. pii: e43514. doi: 10.7554/eLife.43514. PubMed PMID: 30782313; PubMed Central PMCID: PMC6382348. \* co co-authorship.
32. Ntountoumi C, Vlastaridis P, Mossialos D, Stathopoulos C, **Iliopoulos I**, Promponas V, Oliver SG, Amoutzias GD. Low complexity regions in the proteins of prokaryotes perform important functional roles and are highly conserved. *Nucleic Acids Res*. 2019 Nov 4;47(19):9998-10009. doi: 10.1093/nar/gkz730. PubMed PMID: 31504783; PubMed Central PMCID: PMC6821194.
33. Chasapi A, Aivaliotis M, Angelis L, Chanalaris A, **Iliopoulos I**, Kappas I, Karapiperis C, Kyrpides NC, Pafilis E, Panteris E, Topalis P, Tsiamis G, Vizirianakis IS, Vlassi M, Promponas VJ, Ouzounis CA. Establishment of computational biology in Greece and Cyprus: Past, present, and future. *PLoS*

- Comput Biol. 2019 Dec 19;15(12):e1007532. doi: 10.1371/journal.pcbi.1007532.eCollection 2019 Dec. PubMed PMID: 31856214; PubMed Central PMCID: PMC6922331.
34. Theodosios Theodosiou, Nikolaos Papanikolaou, Maria Savvaki, Giulia Bonetto, Stella Maxouri, Eirini Fakourelis, Aristides G. Eliopoulos, Nektarios Tavernarakis, Grigoris D. Amoutzias, Georgios A. Pavlopoulos, Michalis Aivaliotis, Vasiliki Nikolettou, Dimitris Tzamarias, Domna Karagogeos and **Ioannis Iliopoulos**. UniProt Related Documents (UniReD): assisting wet lab biologists in their quest on finding novel counterparts in a protein network. NAR Genom Bioinform. 2020 Feb 11;2(1):lqaa005. doi:10.1093/nargab/lqaa005. eCollection 2020 Mar. PMID: 33575553
  35. Panagopoulou M, Karaglanis M, Manolopoulos VG, **Iliopoulos I**, Tsamardinos I, Chatzaki E. Deciphering the Methylation Landscape in Breast Cancer: Diagnostic and Prognostic Biosignatures through Automated Machine Learning. Cancers (Basel). 2021 Apr 2;13(7):1677. doi: 10.3390/cancers13071677. PMID: 33918195
  36. Kafantaris I, Tsadila C, Nikolaidis M, Tsavea E, Dimitriou TG, **Iliopoulos I**, Amoutzias GD, Mossialos D. Transcriptomic Analysis of Pseudomonas aeruginosa Response to Pine Honey via RNA Sequencing Indicates Multiple Mechanisms of Antibacterial Activity. Foods. 2021 Apr 24;10(5):936. doi: 10.3390/foods10050936.
  37. Theodorakis E, Antonakis AN, Baltsavia I, Pavlopoulos GA, Samiotaki M, Amoutzias GD, Theodosiou T, Acuto O, Efstathiou G, **Iliopoulos I**. ProteoSign v2: a faster and evolved user-friendly online tool for statistical analyses of differential proteomics. Nucleic Acids Res. 2021 Jul 2;49(W1):W573-W577. doi: 10.1093/nar/gkab329. PMID: 33963869
  38. Vogiatzi A, Baltsavia I, Dialynas E, Theodorou V, Zhou Y, Deligianni E, **Iliopoulos I**, Wilkie AOM, Twigg SRF, Mavrothalassitis G. Erf Affects Commitment and Differentiation of Osteoprogenitor Cells in Cranial Sutures via the Retinoic Acid Pathway. Mol Cell Biol. 2021 Jul 23;41(8):e0014921. doi: 10.1128/MCB.00149-21. Epub 2021 Jul 23. PMID: 33972395
  39. Baltoumas FA, Zafeiropoulou S, Karatzas E, Paragkamian S, Thanati F, **Iliopoulos I**, Eliopoulos AG, Schneider R, Jensen LJ, Pafilis E, Pavlopoulos GA. OnTheFly2.0: a text-mining web application for automated biomedical entity recognition, document annotation, network and functional enrichment analysis. NAR Genom Bioinform. 2021 Oct 6;3(4):lqab090. doi: 10.1093/nargab/lqab090. eCollection 2021 Dec. PMID: 34632381
  40. Marios Nikolaidis, Dimitris Tsakogiannis, Garyfalia Bletsas, Dimitris Mossialos, Christine Kottaridi, **Ioannis Iliopoulos**, Panayotis Markoulatos, Grigoris D Amoutzias. HPV16-Genotyper: a computational tool for risk-assessment, lineage genotyping and recombination detection in HPV16 sequences, based on a large-scale evolutionary analysis. Diversity 13 (10), 497 (2021)
  41. Karaglanis M, Panagopoulou M, Baltsavia I, Apalaki P, Theodosiou T, **Iliopoulos I**, Tsamardinos I, Chatzaki E. Tissue-Specific Methylation Biosignatures for Monitoring Diseases: An In Silico Approach. Int J Mol Sci. 2022 Mar 9;23(6):2959. doi: 10.3390/ijms23062959. PMID: 35328380
  42. Karatzas E, Baltoumas FA, Kasionis I, Sanoudou D, Eliopoulos AG, Theodosiou T, **Iliopoulos I**, Pavlopoulos GA. Darling: A Web Application

- for Detecting Disease-Related Biomedical Entity Associations with Literature Mining. *Biomolecules*. 2022 Mar 30;12(4):520. doi: 10.3390/biom12040520. PMID: 35454109
43. Nikolaidis M, Hesketh A, Mossialos D, **Iliopoulos I**, Oliver SG, Amoutzias GD. A Comparative Analysis of the Core Proteomes within and among the *Bacillus subtilis* and *Bacillus cereus* Evolutionary Groups Reveals the Patterns of Lineage- and Species-Specific Adaptations. *Microorganisms*. 2022 Aug 26;10(9):1720. doi: 10.3390/microorganisms10091720. PMID: 36144322
  44. Baltsavia I, Theodosiou T, Papanikolaou N, Pavlopoulos GA, Amoutzias GD, Panagopoulou M, Chatzaki E, Andreakos E, **Iliopoulos I**. Prediction and Ranking of Biomarkers Using multiple UniReD. *Int J Mol Sci*. 2022 Sep 21;23(19):11112. doi: 10.3390/ijms231911112. PMID: 36232413
  45. Papadaki G, Goutakoli P, Tiniakou I, Grün JR, Grützkau A, Pavlopoulos GA, **Iliopoulos I**, Bertias G, Boumpas D, Ospelt C, Reizis B, Sidiropoulos P, Verginis P. IL-6 Signaling Attenuates TNF- $\alpha$  Production by Plasmacytoid Dendritic Cells in Rheumatoid Arthritis. *J Immunol*. 2022 Nov 15;209(10):1906-1917. doi: 10.4049/jimmunol.2100882. PMID: 36426957
  46. Stavropoulou A, Tassios E, Kalyva M, Georgouloupoulos M, Vakirlis N, **Iliopoulos I**, Nikolaou C. Distinct chromosomal "niches" in the genome of *Saccharomyces cerevisiae* provide the background for genomic innovation and shape the fate of gene duplicates. *NAR Genom Bioinform*. 2022 Nov 14;4(4):lqac086. doi: 10.1093/nargab/lqac086. eCollection 2022 Dec. PMID: 36381424
  47. Eptaminitaki GC, Zaravinos A, Stellas D, Panagopoulou M, Karaliota S, Baltsavia I, **Iliopoulos I**, Chatzaki E, Iliopoulos D, Baritaki S. Genome-Wide Analysis of lncRNA-mRNA Co-Expression Networks in CD133+/CD44+ Stem-like PDAC Cells. *Cancers (Basel)*. 2023 Feb 7;15(4):1053. doi: 10.3390/cancers15041053. PMID: 36831395
  48. Antuamwine BB, Bosnjakovic R, Hofmann-Vega F, Wang X, Theodosiou T, **Iliopoulos I**, Brandau S. N1 versus N2 and PMN-MDSC: A critical appraisal of current concepts on tumor-associated neutrophils and new directions for human oncology. *Immunol Rev*. 2023 Mar;314(1):250-279. doi: 10.1111/imr.13176. Epub 2022 Dec 11. PMID: 36504274
  49. Messaritakis I, Psaroudaki E, Vogiatzoglou K, Sfakianaki M, Topalis P, **Iliopoulos I**, Mavroudis D, Tsiaoussis J, Gouvas N, Tzardi M, Souglakos J. Unraveling the Role of Molecular Profiling in Predicting Treatment Response in Stage III Colorectal Cancer Patients: Insights from the IDEA International Study. *Cancers (Basel)*. 2023 Sep 30;15(19):4819. doi: 10.3390/cancers15194819. PMID: 37835512
  50. Pavlopoulos GA, Baltoumas FA, Liu S, Selvitopi O, Camargo AP, Nayfach S, Azad A, Roux S, Call L, Ivanova NN, Chen IM, Paez-Espino D, Karatzas E; Novel Metagenome Protein Families Consortium; **Iliopoulos I**, Konstantinidis K, Tiedje JM, Pett-Ridge J, Baker D, Visel A, Ouzounis CA, Ovchinnikov S, Buluç A, Kyrpides NC. Unraveling the functional dark matter through global metagenomics. *Nature*. 2023 Oct;622(7983):594-602. doi: 10.1038/s41586-023-06583-7. Epub 2023 Oct 11. PMID: 37821698
  51. Vasileiou D, Karapiperis C, Baltsavia I, Chasapi A, Ahrén D, Janssen PJ, **Iliopoulos I**, Promponas VJ, Enright AJ, Ouzounis CA. CGG toolkit: Software components for computational genomics. *PLoS Comput Biol*. 2023

Nov 7;19(11):e1011498. doi: 10.1371/journal.pcbi.1011498. eCollection  
2023 Nov. PMID: 37934729

52. Chatzichristofi A, Sagris V, Pallaris A, Eftychiou M, Kalvari I, Price N, Theodosiou T, **Iliopoulos I**, Nezis IP, Promponas VJ. LIRcentral: a manually curated online database of experimentally validated functional LIR motifs. Autophagy. 2023 Dec;19(12):3189-3200. doi: 10.1080/15548627.2023.2235851. Epub 2023 Aug 2. PMID: 37530436

First author (or equal first): 7

Last or corresponding author: **20** (22 including book chapters)

**Underlined authors were members of Bioinformatics lab of Ioannis Iliopoulos at the time the research was undertaken.**

Συνολικό impact factor (2022) : **426,9**

Συνολικές αναφορές στο google scholar > **3600**.

## BOOK CHAPTERS

1. Pavlopoulos GA, Iacucci E, **Iliopoulos I**, Bagos PG. Interpreting the Omics 'era' data. Multimedia Services in Intelligent Environments, Chapter 6, Springer-Verlag, Germany, volume 25, 2013, pp79-100, pdoi:10.1007/978-3-319-00375-7\_6
2. Pavlopoulos GA, Promponas VJ, Ouzounis CA, **Iliopoulos I**. Biological information extraction and co-occurrence analysis. Methods Mol Biol. 2014;1159:77-92. doi: 10.1007/978-1-4939-0709-0\_5. Review. PubMed PMID: 24788262.
3. Oulas A, Karathanasis N, Louloupis A, Pavlopoulos GA, Poirazi P, Kalantidis K, **Iliopoulos I**. Prediction of miRNA targets. Methods Mol Biol. 2015;1269:207-29. doi: 10.1007/978-1-4939-2291-8\_13. Review. PubMed PMID: 25577381.
4. Μετάφραση κεφαλαίου στο Βιβλίο Γενετική, Hartwell et al, εκδόσεις Utopia.
5. Μετάφραση κεφαλαίων στο βιβλίο Βιοπληροφορική και Λειτουργική Γονιδιωματοική, Jonathan Pevsner, Ακαδημαϊκές Εκδόσεις
6. Συγγραφή κεφαλαίου στο βιβλίο Μοριακή Γενετική του Ανθρώπου, Γεώργιος Δεδούσης, Utopia.

## INVITED TALKS

Invited talks in Universities and Research Institutes such as: German Cancer Research Center (DKFZ, Heidelberg), European Bioinformatics Institute (EBI, Cambridge), European Molecular Biology Laboratory (EMBL, Heidelberg), Kennedy Institute of Rheumatology Division (Imperial College London), Karolinska Institute (Stockholm, Sweden), Hoffmann-La Roche (Basel, Switzerland), Aristotelian University of Thessaloniki, Democritus University of Thrace, Centre for Research and Technology Hellas, BSRC Fleming, University of Patras, University of Thessaly, Biomedical Research Foundation Academy Of Athens (BRFAA), University of Leuven, etc.

